

València, 22 de junio de 2023

## **Ana Conesa, investigadora del CSIC, nueva Fellow de la Sociedad Internacional de Biología Computacional**

- **Conesa es la tercera española reconocida como Fellow por la ISCB. Los otros dos Fellows son Alfonso Valencia (Centro Nacional de Supercomputación) y Nuria López-Bigas (IRB. Barcelona)**
- **La ISCB escoge todos los años Fellows como reconocimiento a sus miembros que han mostrado un compromiso y excelencia notoria en el área de la bioinformática y la biología computacional**

Ana Conesa Cegarra, profesora de investigación del Consejo Superior de Investigaciones Científicas (CSIC) en el Instituto de Biología Integrativa de Sistemas (I2SysBio), centro mixto del CSIC y la Universitat de València, ha sido elegida nueva Fellow de la Sociedad Internacional de Biología Computacional (ISCB, por sus siglas en inglés). Se trata de una sociedad académica mundial sin ánimo de lucro que agrupa a personal investigador en biología computacional y bioinformática, cuyo objetivo es comunicar la importancia de esta área del conocimiento a la comunidad científica, a las organizaciones gubernamentales y al público en general, así como promocionar los avances científicos que contribuyan a mejorar la comprensión de los sistemas vivos a través de la computación.

Conesa es la tercera española reconocida como Fellow por la Sociedad Internacional de Biología Computacional. Los otros dos Fellows son Alfonso Valencia, investigador del Barcelona Supercomputing Center – Centro Nacional de Supercomputación, y Nuria López-Bigas, científica del Instituto de Investigación Biomédica (IRB Barcelona). Los nuevos Fellows serán reconocidos durante la conferencia ISMB/ECCB de 2023 que se celebrará entre el 23 y el 27 de julio en Lyon (Francia).

La ISCB reconoce a la científica española por sus aportaciones clave en el campo de la genómica funcional, la expresión génica y el análisis multiómico, gracias al desarrollo de herramientas bioinformáticas ampliamente utilizadas por biólogos y bioinformáticos. Conesa ha sido pionera en el campo de la transcriptómica de lecturas largas y ha desarrollado más de 20 herramientas utilizadas por decenas de miles de científicos y científicas de todo el mundo.

“Para mí supone un gran reconocimiento a mi trayectoria científica como bióloga computacional en el ámbito de la transcriptómica, pero también como miembro activo

de la Sociedad Internacional de Biología Computacional, de la que soy miembro desde 2008, y desde 2015 coorganizadora de la Conferencia HitSeq del ISCB. Más recientemente, he servido a la sociedad como miembro de su equipo de directores e integrante del grupo de trabajo GreenISCB, donde promovemos prácticas sostenibles en ciencia”, ha indicado Ana Conesa.

## Trayectoria

Ana Conesa es profesora de investigación en el Instituto de Biología Integrativa de Sistemas (I2SysBio, CSIC – Universitat de València) en València (España) y profesora de cortesía en la Universidad de Florida (Estados Unidos). Tiene más de 20 años de experiencia en el campo de la biología computacional y la bioinformática y durante este período ha demostrado un férreo compromiso con el desarrollo de métodos bioinformáticos de alta calidad para ayudar a la comunidad científica en general a analizar datos de expresión génica. Fue la primera bioinformática en ingresar como miembro de la Real Academia de Ingeniería de España y es miembro honorífico de la Sociedad Española de Bioinformática y Biología Computacional.

Su laboratorio desarrolla métodos computacionales para el estudio de la funcionalidad del transcriptoma y la integración de datos multiómicos para el modelado de procesos de desarrollo y enfermedad. Asimismo, ha creado más de una veintena de herramientas de *software* que son utilizadas por decenas de miles de investigadores de todo el mundo. Ha sido pionera en la creación de métodos computacionales para la aplicación de las tecnologías de secuenciación de molécula única al estudio del transcriptoma. Algunas de sus herramientas de *software* más populares son Blast2GO, PaintOmics, maSigPro, NOISeq, Qualimap, SQANTI, tappAS, etc.

## Sociedad Internacional de Biología Computacional

La ISCB es una sociedad académica mundial sin ánimo de lucro, fundada en 1997 y con sede en California (EE. UU.), que agrupa a personal investigador en biología computacional y bioinformática, cuyo objetivo es comunicar los avances científicos que se produzcan en el mundo y que contribuyan a mejorar la comprensión de los sistemas vivos a través de la computación. La ISCB trata de difundir la importancia de la biología computacional entre la comunidad científica en general, entre las organizaciones gubernamentales y el público en general.

Para ello la sociedad brinda servicios a sus miembros(as) a nivel nacional y regional, ofrece servicios de orientación para políticas científicas, a la vez que facilita posibilidades de publicaciones, ya que tiene tres revistas oficiales que son *ISCB Community Journal*, *PLOS Computational Biology* y *Bioinformatics*. La sociedad escoge todos los años ISCB Fellows como reconocimiento a sus miembros que han mostrado un compromiso y excelencia notoria. De esta manera, se homenajea a aquellos de sus integrantes que han realizado contribuciones sobresalientes en el área de la bioinformática y la biología computacional.

**Más información Conesalab:** [Enlace](#).

**Más información ISCB:** [Enlace](#).

**Más información sobre Fellows:** [Enlace](#).

**Más información sobre nuevos Fellows:** [Enlace](#).



Ana Conesa Cegarra, profesora de investigación del CSIC en el Instituto de Biología Integrativa de Sistemas (I2SysBio, CSIC - Universitat de València), nueva Fellow de la Sociedad Internacional de Biología Computacional. Créditos: I2sysBio.